

DNA-Analyseergebnisse

# Llywellynn

Walther Llywellynn von Kauthen Ruh

## DogCheck 4.0

Besitzer

Monika Putzer

Hundename

Walther Llywellynn von Kauthen Ruh

Chipnummer

276099200234477

Probenmaterial

Mundschleimhaut

Probennummer

AA001387

Rasse

Deutscher Spitz

Wurfstag

02.07.2021

ZB Nummer

VDH/VDSp. DS 21-0520

Geschlecht

Rüde

## Mögliche Ergebnisse

### FREI (clear)

Das Testergebnis „frei“ bedeutet, dass der untersuchte Hund KEINE Mutation für eine bestimmte genetische Erkrankung trägt.

### TRÄGER (carrier)

Das Testergebnis „Träger“ bedeutet, dass der untersuchte Hund EINE Kopie der Mutation für eine bestimmte genetische Erkrankung trägt. Der untersuchte Hund muss aber keine klinischen Symptome aufgrund dieser Mutation entwickeln, da meist zwei Kopien einer Mutation für einen Ausbruch einer Erkrankung notwendig sind.

### TRÄGER (carrier) / GEFÄHRDET (at risk)

Das Testergebnis „Träger/gefährdet“ weist darauf hin, dass der untersuchte Hund EINE Kopie der Mutation trägt, die eine bestimmte genetische Erkrankung verursacht. Aufgrund der Art der Vererbung kann bereits EINE mutierte Kopie des Gens zu einem Ausbruch der Erkrankung führen. Hunde mit nur einer Kopie weisen möglicherweise weniger stark ausgeprägte Symptome auf, als Hunde die zwei veränderte Kopien des Gens tragen.

### GEFÄHRDET (at risk)

Das Testergebnis „gefährdet“ bedeutet, dass der untersuchte Hund EINE oder ZWEI Kopien der Mutation für eine bestimmte genetische Erkrankung trägt. Abhängig von der Art der Vererbung einer spezifischen genetischen Erkrankung sind eine oder zwei Mutationen für einen Ausbruch dieser Erkrankung notwendig.

### KEIN ERGEBNIS

Das Testergebnis „Kein Ergebnis“ deutet darauf hin, dass im Zuge der Analysen kein Ergebnis für eine spezifische Krankheit / Eigenschaft Ihres Hundes ermittelt werden konnte. Das bedeutet nicht, dass Ihr Hund ein Träger oder gefährdet für diese Erkrankung ist. Es gibt verschiedene Gründe, warum ein bestimmter Test fehlschlagen kann. Das können einzigartige Variationen in bestimmten Regionen in der DNA sein, die dazu führen, dass ein Test nicht erfolgreich abgeschlossen werden kann und somit kein Ergebnis liefert. Es kann auch sein, dass bei der Entnahme der Mundschleimhautprobe zu wenige Zellen haften blieben und so zu wenig Material für die Analyse vorhanden war. Auch Bakterien oder Pilze, die sich bei nicht ausreichender Trocknung der Bürstchen auf diesen vermehren können, können sich negativ auf die Analysequalität auswirken. Ergebnisse mit mindestens 90% erfolgreichen Analysen werden als akzeptabel angesehen. Sollte Ihr Hund eine nicht akzeptable Zahl von ausgefallenen Resultaten zeigen, werden wir Sie für die Zusendung von neuem Probenmaterial kontaktieren

### NICHT GETESTET

Zu dieser Erkrankung liegen keine Testergebnisse vor oder diese sind in der durchgeführten Analyse nicht enthalten. Patentgeschützte Erkrankungen können als Zusatzoption ergänzt werden und sind nicht Teil des regulären DogCheck 4.0.

## Rassespezifische Erkrankungen

---

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Progressive Retinaatrophie (Riesenschnauzer) - PRA-Schnauzer	WT/WT	Frei

---

## Rassespezifische Fellfarben und Fellbeschaffenheiten

---

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
A-Lokus - ay, aw, at, a	aw/a	Wolfsgrau/Agouti (Träger von rezessivem Schwarz)
B-Lokus - bc, bd, bs	B/B	Schwarzes Fell, Nase und Fußballen (kein Träger von Braun)
E-Lokus e1 Rezessives Rot - e-Loc	E/E	K-Lokus Ausprägung erlaubt
K-Lokus Dominantes Schwarz - K-Loc	KB/KB	Dominant Schwarz

# Alle Merkmale

---

## Fellfarben

---

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
A-Lokus - ay, aw, at, a	aw/a	Wolfsgrau/Agouti (Träger von rezessivem Schwarz)
Albinismus, okulokutaner (Kleine Rassen) - OCA4	WT/WT	Normale Fellpigmentierung
B-Lokus - bc, bd, bs	B/B	Schwarzes Fell, Nase und Fußballen (kein Träger von Braun)
B-Lokus ba (Braun) - ba-Loc	B/B	Schwarzes Fell, Nase und Fußballen (kein Träger von ba-Braun)
Co-Locus Cocoa Braun (Französische Bulldogge) - Co-Loc	Co/Co	Schwarzes Fell, Nase und Fußballen (kein Träger von Cocoa-braun)
E-Lokus Ea Ancient Domino - Ea-Loc	WT/WT	Kein Domino
E-Lokus Eg Grizzle Domino - Eg-Loc	WT/WT	Kein Grizzle
E-Lokus Eh Cocker Zobel - Eh-Loc	WT/WT	Kein Cocker-Zobel
E-Lokus Em melanistische Maske - Em-Loc	Em/Em	Melanistische Maske
E-Lokus e1 Rezessives Rot - e-Loc	E/E	K-Lokus Ausprägung erlaubt
E-Lokus e3 Rezessives Rot (Husky) - e3-Loc	E/E	K-Lokus Ausprägung erlaubt
H-Lokus Harlekin (Deutsche Dogge) - H-Loc	h/h	Kein Harlekin
I-Lokus Intensität (Pheomelenin Farbverdünnung) - I-Loc	i/i	Phäomelanin Farbverdünnung
K-Lokus Dominantes Schwarz - K-Loc	KB/KB	Dominant Schwarz

Sp2-Lokus Piebald (Weißscheckung, Parti) - Sp2-Loc

S/sp

Eingeschränkte weiße  
Scheckung, Flash oder Piebald

---

## Fellmerkmale

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Cu1-Lokus, Locken - Cu1-Loc	Cu/Cu	Glattes Fell
IC-Lokus Impropper Coat (Furnishing/Rauhaar) - IC-Loc	IC/IC	Kein Furnishing/Improper coat
L1-Lokus Langhaar (gängige Variant) - L1-Loc	I/I	Langhaar
L2-Lokus Langhaar (Akita) - L2-Loc	L/L	Kurzhaar (kein Träger von Langhaar)
L4-Lokus Langhaar (Afghane, Französische Bulldogge) - L4-Loc	L/L	Kurzhaar (kein Träger von Langhaar)
SD-Lokus (Shedding, Haaren) - SD-Loc	SD/SD	Starkes Haaren

## Merkmale

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Brachycephalie, Schnauzenlänge, Schädelform	BR/BR	Wahrscheinlich mittlere bis lange Schnauze
Körpergröße und Dentale Anomalien 1 (Shetland Sheepdog) - Dental	WT/WT	Größere Körpergröße
Körpergröße und Dentale Anomalien 2 (Shetland Sheepdog) - Body Size	WT/WT	Größere Körpergröße
Körpergröße-GHR-Typ1 - Body Size	M/M	Reduzierte Körpergröße
Körpergröße-GHR-Typ2 - Body Size	WT/WT	Größere Körpergröße
Körpergröße-HMGA2 - Body Size	NoCall	Kein Ergebnis
Körpergröße-IGF1 - Body Size	M/M	Reduzierte Körpergröße
Körpergröße-IGFR1 - Body Size	WT/WT	Größere Körpergröße
Körpergröße-STC2 - Body Size	WT/WT	Größere Körpergröße
Stehohren	WT/WT	Wahrscheinlich Stehohren
T-Lokus Stummelrute (Bobtail, natürliche kurze Rute) - T-Loc	t/t	Normale Rutenlänge
Zwergwuchs, Wachstumshormon Defizienz (Chihuahua) - Body Size	WT/WT	Größere Körpergröße



## Sonstige

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Hypoxie (Höhenanpassung) - Hypoxia	WT/WT	Keine Hypoxie Anpassung
Kupfertoikose-protektiver Modifikator (Labrador Retriever)	WT/WT	Keine Protektive Variante

# Alle Erkrankungen

## Augen

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Gangliosidose GM1 (Shiba Inu) - GM1	WT/WT	Frei
Glaukom und Goniodysgenesie (Border Collie) - GG/PCAG	WT/WT	Frei
Kongenitale Stationäre Nachtblindheit (Briard) - CSNB	WT/WT	Frei
Makuläre Hornhautdystrophie (Labrador Retriever) - MCD	WT/WT	Frei
Multifokale Retinopathie 1 - CMR1	NoCall	Kein ergebnis
Primäre Linsenluxation - PLL	WT/WT	Frei
Progressive Retinaatrophie (Riesenschnauzer) - PRA-Schnauzer	WT/WT	Frei
Progressive Retinaatrophie 1 (Papillon) - PRA-Pap1	WT/WT	Frei
Progressive Retinaatrophie 2 (Golden Retriever) - PRA-GR2	WT/WT	Frei
Progressive Retinaatrophie, Cone-Rod Dystrophie 1 (American Pit Bull Terrier) - PRA-crd1	WT/WT	Frei
Progressive Retinaatrophie, Cone-Rod Dystrophie 4/cord1 - PRA-cord1/crd4	WT/WT	Frei
Progressive Retinaatrophie, Rod-cone dysplasia 3 (Cardigan Welsh Corgi) - PRA-rcd3	WT/WT	Frei

## Blut & Blutgerinnung

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Canine Scott Syndrome (Deutscher Schäferhund) - CSS	WT/WT	Frei
Faktor VII Defizienz - F7	WT/WT	Frei
Kongenitale Methämoglobinämie (Zwergspitz)	WT/WT	Frei
Macrothrombocytopenie (Cavalier King Charles Spaniel) - MTCP	WT/WT	Frei
P2RY12-Rezeptor Defekt (Grosser Schweizer Sennenhund) - P2Y12	WT/WT	Frei
Prekallikrein Defizienz (Hairless Terrier, Shih-Tzu)	WT/WT	Frei
Von Willebrand Erkrankung I - vWD I	WT/WT	Frei
Von Willebrand Erkrankung II (Deutsch Kurzhaar) - vWD II	WT/WT	Frei

## Entwicklung

---

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Persistierendes Müllergang Syndrom (Schnauzer) - PMDS	WT/WT	Frei

---

## Fortpflanzung

---

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Persistierendes Müllergang Syndrom (Schnauzer) - PMDS	WT/WT	Frei

---

## Haut

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Ehlers-Danlos Syndrom Variante 1 (Pudel) - EDS	WT/WT	Frei
Hereditäre Fußballenhyperkeratose (Irish Terrier & Kromfohländer) - HFH	WT/WT	Frei
Ichthyose 1 (Golden Retriever) - ICH-GR1	WT/WT	Frei

## Herz

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Kardiomyopathie, Juvenile Mortalität (Belgischer Malinois) - CJM	WT/WT	Frei
Kardiomyopathie, dilatativ (Schnauzer) - DCM	WT/WT	Frei
Kardiomyopathie, dilatativ, Risikovariante 2 (Dobermann) - DCM	WT/WT	Frei
Ventrikuläre Arrhythmie (Rhodesian Ridgeback) - IVA	WT/WT	Frei

## Immunsystem

---

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Autoinflammatorische Erkrankung (Shar-Pei) - SPAID	WT/WT	Frei
Trapped Neutrophil Syndrome (Border Collie) - TNS	WT/WT	Frei

---



## Leber & Magen-Darm

---

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Immerslund-Gräsbeck Syndrom (Border Collie) - IGS-BC	WT/WT	Frei
Lundehund Syndrom (Norwegischer Lundehund) - LS	WT/WT	Frei

---

## Medikamentenstoffwechsel

---

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Multidrug-Resistance 1 - MDR1	WT/WT	Frei

---

## Muskulatur & Skelett

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Chondrodysplasie (Karelischer Bärenhund) - CDPA	WT/WT	Frei
Craniomandibuläre Osteopathie - CMO	WT/WT	Frei
Degenerative Myelopathy, Early-Onset Modifikator (Pembroke Welsh Corgi) - DM-Modifikator	WT/WT	Frei
Gangliosidose GM1 (Shiba Inu) - GM1	WT/WT	Frei
Osteogenesis Imperfecta (Dackel) - OI	WT/WT	Frei
Osteogenesis Imperfecta Type 3 (Golden Retriever) - OI	WT/WT	Frei
Polyneuropathie 2 (Leonberger) - LPN2	WT/WT	Frei
Skeletale Dysplasie 2 - SD2	WT/WT	Frei

## Neurologie

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Akrales Mutilationssyndrom - AMS	WT/WT	Frei
Benigne Familiäre Juvenile Epilepsie (Lagotto Romagnolo) - BFJE	WT/WT	Frei
Degenerative Myelopathy, Early-Onset Modifikator (Pembroke Welsh Corgi) - DM-Modifikator	WT/WT	Frei
Gangliosidose GM1 (Shiba Inu) - GM1	WT/WT	Frei
Juvenile Myoklonische Epilepsie (Rhodesian Ridgeback) - JME	WT/WT	Frei
Kehlkopflähmung und Polyneuropathie (Leonberger) - LPPN3	WT/WT	Frei
L-2-Hydroxyglutarazidurie (Staffordshire Bull Terrier) - L-2-HGA	WT/WT	Frei
Lagotto Speicherkrankheit (Lagotto Romagnolo) - LSD	WT/WT	Frei
Leukoencephalomyelopathie (Leonberger) - LEMP	WT/WT	Frei
Neonatale Enzephalopathie mit Krampfanfällen (Pudel) - NEWS	WT/WT	Frei
Neuroaxonale Dystrophie (Papillon) - NAD	WT/WT	Frei
Neuronale Zeroidlipofuszinose 4A (American Staffordshire Terrier) - NCL-4A	WT/WT	Frei
Neuronale Zeroidlipofuszinose 8 (Saluki) - NCL-8	WT/WT	Frei
Polyneuropathie 2 (Leonberger) - LPN2	WT/WT	Frei
Spongiose Degeneration mit zerebellarer Ataxie 1 (Belgischer Malinois) - SDCA1	WT/WT	Frei
Spongiose Degeneration mit zerebellarer Ataxie 1 (Jack Russell Terrier) - SDCA1	WT/WT	Frei
Spongiose Degeneration mit zerebellarer Ataxie 2 (Belgischer Malinois) - SDCA2	WT/WT	Frei

## Neuromuskulär

---

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Gangliosidose GM1 (Shiba Inu) - GM1	WT/WT	Frei

---

## Ohr

---

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Taubheit (Rhodesian Ridgeback) - EOAD	WT/WT	Frei

---

## Stoffwechsel

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Gangliosidose GM1 (Shiba Inu) - GM1	WT/WT	Frei
Immerslund-Gräsbeck Syndrom (Border Collie) - IGS-BC	WT/WT	Frei
L-2-Hydroxyglutarazidurie (Staffordshire Bull Terrier) - L-2-HGA	WT/WT	Frei
Lagotto Speicherkrankheit (Lagotto Romagnolo) - LSD	WT/WT	Frei
Lundehund Syndrom (Norwegischer Lundehund) - LS	WT/WT	Frei
Multidrug-Resistance 1 - MDR1	WT/WT	Frei
Neuronale Zeroidlipofuszinose 4A (American Staffordshire Terrier) - NCL-4A	WT/WT	Frei
Neuronale Zeroidlipofuszinose 8 (Saluki) - NCL-8	WT/WT	Frei

## Urogenitaltrakt

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Cystinurie Risikofaktor Typ 3 Variante 1 (Bulldogge) - Cyst3-1	WT/WT	Frei
Cystinurie Risikofaktor Typ 3 Variante 2 (Bulldogge) - Cyst3-2	WT/WT	Frei
Familiäre Nephropathie (Cocker Spaniel) - FN	WT/WT	Frei
Hyperurikosurie - HUU	WT/WT	Frei
Persistierendes Müllergang Syndrom (Schnauzer) - PMDS	WT/WT	Frei
Protein Losing Nephropathy 1 - PLN1	WT/WT	Frei



## Zähne

---

Genetische Analyse	Genotyp	Interpretation
Amelogenesis Imperfecta (Italienisches Windspiel) - AI	WT/WT	Frei
Dentale Hypomineralisierung (Border Collie)	WT/WT	Frei

---



---

Dr. rer. nat. A.M. Geretschläger

Die Genauigkeit und Präzision des Tests wurden vom Labor genauestens überprüft. Da alle durchgeführten Analysen DNA-basiert sind, können in seltenen Fällen seltene genomische Variationen die Analysen beeinflussen und zu abweichenden/falschen Ergebnissen führen. Sollten Sie der Meinung sein, dass bei den Ergebnissen ein Fehler vorliegt, wenden Sie sich bitte für eine weitere Evaluierung umgehend an unser Labor.